

高醫團隊與中研院共同合作 乳癌研究躍登Nature

■秘書室 整理



▲侯明鋒院長說明研究成果

本校與中研院及三總共組乳癌研究團隊，參與國際乳癌研究，將全球24萬名乳癌患者及健康婦女檢體整合分析，找到65個新的乳癌基因體位點，登上國際期刊Nature，這項重大研究發現將對未來乳癌預防、治療產生關鍵性的影響。

這項跨校際合作的研究團隊，高醫團隊的參與者，包括小港醫院侯明鋒院長、大同醫院陳芳銘醫務秘書、高醫附院歐陽賦主任、莊捷翰醫師、高理鈞醫師、甘蓉瑜醫師及巫承哲醫師等人，以及三軍總醫院的俞志誠醫師與中央研究院生醫所的沈志陽教授。

臺灣團隊近十年來積極參與國際乳癌研究聯盟 (Breast Cancer Association Consortium，簡稱BCAC) 的討論與分析，不斷的尋找影響乳癌發生的基因，並已發表多篇論文，這次的研究結果是延續過去十多年來BCAC的乳癌研究又一個高峰，同時展現高醫團隊與三軍總醫院臨床醫學與中研院生醫所基礎醫學的共同合作成果。乳癌是國內婦女好發癌症的首位，且發生率逐年上升，了解其發生的原因在公共衛生上是刻不容緩的問題，雖然日常飲食環境與懷孕

行為的改變在乳癌發生扮演重要的角色，但是基因與遺傳仍是重要的因素，尤其臺灣乳癌發病年齡又比國外年輕，如今找到新的乳癌基因位點，將對乳癌預防開啓新方向。

劉景寬校長表示，這是團隊合作很好的典範，有助於醫療研究上探討病因，增進預防醫學，他並肯定中研院沈志陽教授從基礎到臨床的學術研究，尤其陳建仁副總統在中研院副院長任內在本校啓動人體資料庫的浩大研究為未來基礎醫學訂下非常重要的基礎。本校也全力參與「臺灣人體生物資料庫」計畫，資料庫越符合本土樣本，越讓本土疾病越能精準分析背景，也對全世界醫學有進一步貢獻。

小港醫院侯明鋒院長表示，乳癌是臺灣婦女好發癌症首位，每年新增1萬4000多人，乳癌致病基因點的新發現，可望讓未來基因檢測更臻成熟；中研院生醫所沈志陽教授表示，過去臺灣醫學研究樣本數有限，研究成果難被國際期刊接受，此次臺灣研究團隊累積10多年來參與國際乳癌研究聯盟 (BCAC) 的成果，大規模分析24萬筆檢體 (歐洲22萬筆及亞洲2萬筆)，其中臺灣約占2000筆，堪稱史上最大規模的乳癌基因研究。📍

